

# RNA Virus Genome Sequencing SARS-CoV-2

## Paket 1 : Re-Sequencing

Menggunakan Illumina Platform (at least 1 Gb data)

Type of sample = cDNA.  
Ekstraksi RNA dari swab nasofaring, jangan lupa berikan DNase untuk menghilangkan human genome (pastikan yang terekstraksi adalah RNA human beserta RNA virus, tanpa ada kontaminasi genomic DNA).  
Convert ke cDNA.

cDNA requirement adalah 1 ug.

Tidak ada minimum sampel.

### Informasi Harga

Rp 5,200,000	Tanpa Bioinformatics Analysis
Rp 7,000,000	Dengan Bioinformatics Analysis
Rp 3,000,000	Shipment Jakarta - Singapore

### Jenis Bioinformatics Analysis:

- Data quality control: filtering reads containing adapter or with low quality.
- Alignment with reference.
- SNP/InDel calling, annotation and statistics.
- SV calling, annotation and statistics.

## Paket 2 : Complete Genome Sequencing

Menggunakan Illumina Platform, digabung dengan Oxford Nanopore Platform. (Illumina 1 Gb data + Oxford Nanopore 1 Gb data).

Type of sample = cDNA.  
Ekstraksi RNA dari swab nasofaring, jangan lupa berikan DNase untuk menghilangkan human genome (pastikan yang terekstraksi adalah RNA human beserta RNA virus, tanpa ada kontaminasi genomic DNA). Convert ke cDNA.

cDNA requirement adalah 1 ug.

Tidak ada minimum sampel.

### Informasi Harga

Rp 25,800,000	Tanpa Bioinformatics Analysis
Rp 39,900,000	Dengan Bioinformatics Analysis
Rp 3,000,000	Shipment Jakarta - Singapore

Paket ini lebih untuk customer yang melakukan riset untuk mengetahui complete genome, assembly genome atau customer yang mau mendapatkan reference genome dari isolate yang baru (karena virus ini terus menerus evolving).

### Jenis Bioinformatics Analysis:

- Data quality control: filtering reads containing adapter or with low quality.
- Genome advanced assemble.
- Genome survey: genome size, GC distribution, repeat rate.
- Genome component analysis: gene structure prediction, repeat sequences, non-coding RNAs, CRISPR, prophage analysis, gene island analysis.
- Gene function annotation: KEGG, SwissPort, NR, GO, COG.
- Genome cycle graph.

